

第 15 回 日本 RNA 学会年会 ポスターセッション

ポスターセッション(1) 奇数番号発表 : 7 月 24 日 (水) 13:25-14:55

ポスターセッション(2) 偶数番号発表 : 7 月 25 日 (木) 13:20-14:50

P-1-----

枯草菌における CGN コドンの認識機構の解析

○相馬 亜希子¹, 巴 大輔², 久保田 篤², 池内 与志穂³, 鈴木 勉³,
関根 靖彦²

(¹千葉大学・園芸, ²立教大・理学部, ³東大・工学部)

P-2-----

2 次構造情報を基盤とした RNA バイオインフォマティクス技術・ツールの最近の進展

○浜田 道昭¹

(¹東京大学大学院 新領域創成科学研究科 情報生命科学専攻, ²産総研・CBRC)

P-3-----

セマフォリン 3A による脆弱 X 精神遅滞タンパク質の局在制御

○高畠 将¹, 五嶋 良郎², 佐々木 幸生¹

(¹横浜市立大学大学院生命医科学研究科機能構造科学研究室, ²横浜市立大学大学院医学研究科分子薬理神経生物学教室)

P-4-----

人工細胞モデルのゲノム RNA の拡張にむけて

○栗井 貴子¹, 数田 恭章¹, 市橋 伯一^{1,2}, 四方 哲也^{1,2,3}

(¹(独)科学技術振興機構 四方動的微小反応場プロジェクト, ²大阪大学大学院情報科学研究科, ³大阪大学大学院生命機能研究科)

P-5-----

変則的な遺伝暗号への変換が可能な線虫特異的 tRNA (nev-tRNA) の発現と機能の解析

○浜島 聖文¹, 安達 佳樹², 富田 勝¹, 小原 雄治², 金井 昭夫¹

(¹慶應義塾大学先端生命科学研究所, ²国立遺伝学研究所)

P-6-----

HTR2C pre-mRNA の構造と A-to-I RNA 編集の関係

○小山 唯, 加藤 卓, 弟子丸 正伸, 福田 将虎

(福岡大学大学院理学研究科)

P-7-----

***Methanosarcina acetivorans* 由来 tRNA-guanine transglycosylase
における天然型および組換え型酵素の精製とその比較**

○能村 友一朗, 恩田 由美子, 大野 敏, 谷口 浩輝, 安藤 香織, 岡
夏央, 西川 一八, 横川 隆志
(岐阜大学大学院工学研究科)

P-8-----

リボソームの構造解析における計算科学的アプローチ

川添 将仁¹, 小西 史一², Tatsuya Kaminishi^{1,3}, 直枝 千恵子¹, 板垣
貴¹, Paola Fucini³, ○竹本 千重⁴, 横山 茂之¹
(¹理研・構造生物学, ²東工大・院情報理工学, ³フランクフルト大, ⁴理研・
ライフサイエンス技術基盤研究センター)

P-9-----

**単細胞緑藻クラミドモナスを用いた RNA サイレンシング機構
の解析**

○山崎 朋人¹, Heriberto Cerutti², 大濱 武¹
(¹高知工科大学環境理工学群, ²University of Nebraska-Lincoln Center for
Plant Science Innovation)

P-10-----

**セントロメアヘテロクロマチン形成における *dg ncRNA* イン
トロンのスプライシング制御**

○塚原 千紘¹, 牟田園 正敏¹, 森田 京¹, 知念 まどか¹, 中山
潤一², 石井 浩二郎³, 井手上 賢¹, 谷 時雄¹
(¹熊本大学大学院自然科学研究科生命科学講座, ²名古屋市立大学大学院
システム自然科学研究科, ³大阪大学大学院生命機能研究科染色体機能制
御研究室)

P-11-----

**2 型糖尿病リスクと相関する tRNA 2-メチルチオ化修飾の検出
法**

魏 范研¹, 謝 佩玉¹, 平田 翔児², 貝塚 択¹, 鈴木 勉², 富澤 一仁¹, ○鈴木 健夫²
(¹熊本大学・院・生命科学研究部, ²東大・院・工)

P-12-----

昆虫 RNA ウィルス遺伝子間領域の翻訳機構

○鴨下 信彦¹, 富永 眞一¹, 中島 信彦²
(¹自治医科大学医学部 生化学, ²農業生物資源研究所 昆虫微生物機能
研究ユニット)

P-13-----

A tRNA cleaving activity of the toxin - antitoxin VapBC from *Sulfolobus tokodaii*

○関本 文音, 奥村 汐里, 松浦 由佳, 大野 敏, 西川 一八, 横川 隆志
(岐阜大学 工学部 化学・生命工学科)

P-14-----

情報科学及び実験的アプローチによるシロイヌナズナにおける高温ストレス応答性翻訳制御を規定するシス制御因子の探索

○松浦 秀幸¹, 久保 佑喜², 上田 清貴², 平田 收正¹, 金谷 重彦³, 加藤 晃²
(¹大阪大学大学院薬学研究科, ²奈良先端科学技術大学院大学バイオサイエンス研究科, ³奈良先端科学技術大学院大学情報科学研究科)

P-15-----

インフルエンザウイルス RNA ゲノムの宿主適応に関連した genome signature の変化に関する新規情報解析

○岩崎 裕貴^{1,2}, 阿部 貴志³, 和田 健之介¹, 和田 佳子^{1,4}, 米澤 弘毅¹, 池村 淑道¹
(¹長浜バイオ大学, ²学術振興会特別研究員 PD, ³新潟大学, ⁴滋賀医大)

P-16-----

RNA Imaging in Living Tissues with Exciton-controlled Fluorescent Probes

Ikumi Oomoto¹, Asuka Suzuki-Hirano^{3,4}, Hiroki Umeshima¹, Ayako Koyama¹, Mineko Kengaku¹, Akimitsu Okamoto^{2,5}, Tomomi Shimogori³, ○Dan Ohtan Wang¹
(¹Institute for Integrated Cell-Material Sciences (WPI-iCeMS), Kyoto University, ²Advanced Science Institute, RIKEN, ³Brain Science Institute, RIKEN, ⁴JSPS Research fellow, ⁵Research Center for Advanced Science and Technology, University of Tokyo)

P-17-----

大腸癌血中 Biomarker、microRNA-92a/Microvesicle の生物学的意義

○辻村 野乃香¹, 赤尾 幸博²
(¹岐阜大学大学院工学研究科, ²岐阜大学大学院連合創薬医療情報)

P-18-----

葉酸依存性 tRNA(m⁵U54)メチル化酵素 TrmFO はどうやって tRNA 中の U54 を認識しているのか?

○山上 龍太¹, 山下 光輝¹, 西増 弘志², 富川 千恵¹, 越智 杏奈¹,
岩下 智香子¹, 平田 章¹, 石谷 隆一郎², 濡木 理², 堀 弘幸^{1,3}
(¹愛媛大学大学院理工学研究科,²東京大学大学院理学系研究科,³愛媛大学ベンチャー・ビジネス・ラボラトリー)

P-19-----

コムギ由来翻訳開始因子 eIF2 の調製法の検討

○野中 拓, 久松 啓伍, 富川 千恵, 高井 和幸
(愛媛大学大学院理工学研究科物質生命工学専攻)

P-20-----

mRNA 輸送因子 UAP56 ならびに URH49 における複合体形成差異を決定する領域の同定

○藤田 賢一, 南 裕基, 増田 誠司
(京都大学大学院生命科学研究科)

P-21-----

RNA 分解は non-coding RNA である GAS5 の機能を制御する

○谷 英典¹, 鳥村 政基¹, 秋光 信佳²
(¹産総研・環境管理,²東大・RI 総セ)

P-22-----

肝細胞癌における NF90-NF45 による miR-7 生合成阻害

○樋口 琢磨^{1,4}, 戸高 寛^{1,4}, 山口 史佳¹, 森澤 啓子¹, 小野 正文²,
杉山 康憲¹, 津田 雅之³, 坂本 修士¹
(¹高知大学 総合研究センター 分子生物学教室,²高知大学 医学部 消化器内科学講座,³高知大学 総合研究センター 動物実験施設,⁴(独)日本学術振興会特別研究員 DC1)

P-23-----

ゼブラフィッシュを用いたリボソーム病発症機構の解明

上地 珠代¹, 中島 由香里¹, Yadav Gnaneshwar¹, Patil Prakash¹, 鈴木 穰², 菅野 純夫², 剣持 直哉¹
(¹宮崎大学フロンティア科学実験総合センター,²東京大学大学院新領域創成科学研究科)

P-24-----

内在性 RNA ウイルス由来 lncRNA の発現と機能解析

○朝長 啓造, 小嶋 将平, 本田 知之
(京都大学ウイルス研究所)

- P-25-----
シロイヌナズナ CGS1mRNA の翻訳停止におけるリボソーム出口トンネルの解析
○大橋 悠文¹, 尾上 典之², 尾之内 均¹, 内藤 哲^{1,2}
(¹北海道大学大学院農学院, ²北海道大学大学院生命科学院)
- P-26-----
RNA-Seq during the shift from dark to blue light in Arabidopsis
○栗原 志夫, 川島 美香, 松井 南
(理化学研究所環境資源科学研究センター)
- P-27-----
S-アデノシルメチオニンはシロイヌナズナ CGS1 mRNA における翻訳アレストに先立って新生ペプチドの収縮を引き起こす
○山下 由衣¹, 尾之内 均², 内藤 哲^{1,2}
(¹北海道大学大学院生命科学院, ²北海道大学大学院農学院)
- P-28-----
HNF4α による miR-194/192 の発現制御機構の解析と標的遺伝子の同定
○神成 真名, 松田 強志, 齊藤 千夏, 土田 雄一, 前田 つかさ, 守本 葵, 行木 信一, 井上 裕介
(群馬大学理工学研究院分子科学部門)
- P-29-----
miRNA 検出を指向したアミノ化 RNA 及びペプチド核酸プローブの合成
○吉岡 美樹, 飯島 良紘, 金森 功史, 正木 慶昭, 大窪 章寛, 関根光雄, 清尾 康志
(東京工業大学大学院生命理工学研究科)
- P-30-----
ショウジョウバエの長鎖 dsRNA を介した RNAi 誘導における小胞型 H⁺/Cl⁻交換輸送体 Clc-7 の役割
○田中 翼^{1,2,3}, 反町 典子², 中村 輝¹, Katja Brückner³
(¹熊本大学発生医学研究所, ²国立国際医療研究センター, ³カリフォルニア大学サンフランシスコ校)
- P-31-----
ケージドアミノアシル tRNA を用いた翻訳の光制御
○赤星 彰也, 土井 芳朗, 木内 智樹, 渡邊 和則, 大槻 高史
(岡山大学大学院自然科学研究科)

P-32-----

線虫 *rp* 遺伝子の選択的スプライシング制御機構の解析

○武井 理美, 黒柳 秀人
(東京医科歯科大学)

P-33-----

**RNA 合成生物学における機能モジュールとしての自己二量化
グループ I イントロン**

○田中 貴大, 古田 弘幸, 井川 善也
(九州大学大学院工学府物質創造工学専攻)

P-34-----

**大腸菌リボソームタンパク質オペロン部位から転写されるア
ンチセンス RNA の解析**

○川野 光興, 藤田 翔太, 井本 和宏, 小柳 佳奈
(新潟薬科大学応用生命科学部)

P-35-----

ミトコンドリア翻訳系から遺伝暗号の起源を探る

○渡辺 公綱¹, 横堀 伸一¹, 鈴木 勉²
(¹東京薬科大学生命科学部, ²東京大学大学院工学系研究科)

P-36-----

カイコ piRNA 生合成経路における BmQin の機能解析

○西田 知訓¹, 加藤 弓子¹, 岩崎 由香¹, 渋谷 あおい¹, 斎藤 都暁¹, 塩見 春彦¹, 塩見 美喜子²
(¹慶應義塾大学医学部, ²東京大学理学部)

P-37-----

**RsgA(リボソーム小サブユニット依存 GTP 加水分解酵素)の機
能およびリボソームとの相互作用**

後藤 史門¹, 長谷 要一¹, 菊地 岳志¹, 栗田 大輔¹, 武藤 昱¹, 竹本
千重², 横山 茂之³, Sean R. Connell⁴, Paola Fucini⁴, ○姫野 俵太¹
(¹弘前大学農学生命科学部, ²理化学研究所ライフサイエンス基盤技術セ
ンター, ³理化学研究所横山構造生物学研究室, ⁴Goethe University
Frankfurt)

P-38-----

標的遺伝子発現を抑制する box C/D 型 snoRNA の構築

○川本 崇仁, 小山 唯, 弟子丸 正伸, 福田 将虎
(福岡大学理学部化学科機能生物化学研究室)

P-39-----

***Thermoplasma acidophilum* 由来 tRNA^{Leu} において Archaeosine が
2 カ所に形成されるメカニズムの解析**

○河村 卓哉¹, 富川 千恵¹, 大平 高之², 井上 仁³, 行木 信一⁴, 岡
夏央⁵, 谷口 浩輝⁵, 安藤 香織⁵, 大野 敏⁵, 山岸 明彦³, 鈴木 勉²,
横川 隆志⁵, 堀 弘幸^{1,6}

(¹愛媛大学大学院理工学研究科, ²東京大学大学院工学系研究科, ³東京薬
科大学生命科学部分子生命科学科, ⁴群馬大学大学院工学研究科, ⁵岐阜大
学工学部化学・生命工学科, ⁶愛媛大学 VBL)

P-40-----

**SHARAKU: トランスクリプトームデータから機能性 RNA をプ
ロセシングパターンで分類する手法の開発**

阿部 雅哉¹, 長谷 純崇¹, 成瀬 清², 佐藤 健吾¹, ○榊原 康文¹

(¹慶應義塾大学理工学部, ²基礎生物学研究所)

P-41-----

翻訳終結因子 eRF3 の細胞内局在制御

○橋本 芳史, 細田 直, 星野 真一

(名古屋市立大学大学院薬学研究科)

P-42-----

**RNA aptamer への応用を指向した 2'-O-カルバモイルウリジン
誘導体の合成と評価**

○伊藤 比祐吾, 山崎 一史, 山田 希, 角田 浩佑, 正木 慶昭, 金森
功吏, 大窪 章寛, 清尾 康志, 関根 光雄

(東京工業大学大学院生命理工研究科)

P-43-----

LINE RNA 逆転写酵素認識部位の立体構造解析

○大津 舞菜¹, 野呂瀬 直¹, 新井 直¹, 寺尾 亮¹, 梶川 正樹², 岡田
典弘³, 河合 剛太¹

(¹千葉工業大学工学部, ²東京工業大学大学院生命理工学研究科, ³台湾国
立成功大学)

P-44-----

**Conserved functions of CCR4-NOT in TNRC6 dependent gene
silencing**

○牧野 支保¹, 三嶋 雄一郎², 井上 邦夫³, 稲田 利文¹

(¹東北大学大学院 薬学研究科, ²東京大学 分子細胞生物学研究所, ³神
戸大学大学院 理学研究科)

P-45-----

長鎖非コード RNA HOTAIR は小細胞肺癌で高発現し、細胞接着に関連する遺伝子発現を変化させ、その早期再発と関連している

小野 宏¹, 廣瀬 哲郎², 石川 雄一¹

(¹がん研究会がん研究所病理部, ²産業技術総合研究所)

P-46-----

Pbp1 はリボソームと結合して Khd1-Ccr4 を介した細胞壁合成を制御している

○木村 雄一, 入江 賢児

(筑波大学大学院人間総合科学研究科)

P-47-----

アミノアシル tRNA 合成酵素と翻訳伸長因子を用いた分子系統解析に基づく生命の初期進化の解明

○古川 龍太郎, 金武 舞, 中川 穂, Rejsh Kumar V.J. , 横堀 伸一, 山岸 明彦

(東京薬科大学生命科学部)

P-48-----

スプライシング因子の染色体分離における機能

○西村 佳菜子, 井手上 賢, 長 裕紀子, 谷 時雄

(熊本大学大学院自然科学研究科)

P-49-----

網膜神経節細胞特異的 RNA 結合タンパク質 Hermes によるアポトーシス制御機構の解析

○古川 真理, 井上 邦夫

(神戸大学大学院理学研究科)

P-50-----

RNA アプタマーの解析から明らかにされてきたポリアミンと RNA の結合様式

○小黒 明広, 松藤 千弥

(東京慈恵会医科大学・分子生物学講座)

P-51-----

PAR-CLIP 法を用いた TDP-43 と FUS に共通するターゲットの同定

○山本 宗隆¹, 李 全¹, 鈴木 穰², 河原 行郎¹

(¹大阪大学大学院医学系研究科遺伝子機能制御学教室, ²東京大学大学院新領域創成科学研究科メディカルゲノム専攻)

P-52-----

**核内 RNA ヘリケース Upf1 による A-to-I RNA エディティング
の制御**

○岡田 俊平, 矢野 孝紀, 櫻井 雅之, 鈴木 勉

(東京大学大学院工学系研究科化学生命工学専攻)

P-53-----

**RNP ナノ構造体を活用した RNA 動的構造変換過程の直接観察
および細胞機能制御技術の開発**

○長田 江里子¹, 鈴木 勇輝², 日高 久美², 杉山 弘^{2,3}, 遠藤 政幸^{2,3},
齊藤 博英^{1,4}

(¹ 京都大学 iPS 細胞研究所, ² 京都大学大学院理学研究科, ³ 京都大学物質・
細胞統合システム拠点 (iCeMS), ⁴ 京都大学次世代研究者育成センター)

P-54-----

F1 γ の酸性 pH 誘導による選択的スプライシング調節

○坂下 英司, 笠嶋 克巳, 遠藤 仁司

(自治医科大学医学部生化学講座)

P-55-----

無細胞翻訳系における 30S リボソームサブユニットの再構成

○田丸 大知¹, 清水 義宏², 上田 卓也¹

(¹ 東京大学大学院新領域創成科学研究科, ² 理化学研究所生命システム研
究センター細胞デザインコア)

P-56-----

**神経特異的 RNA 結合蛋白質 HuD の細胞内局在と cap 依存的翻
訳活性化能との関係**

○佐藤 亮介¹, 深尾 亜喜良², 野本 明男¹, 藤原 俊伸^{1,2}

(¹ 微生物化学研究所 (微化研) 基盤生物研究部, ² 名古屋市立大学・院薬)

P-57-----

神経細胞における RNA 編集酵素のエピゲノム制御

○内田 仁司, 伊藤 誠二

(関西医科大学)

P-58-----

眼疾患患者の前房水中に含まれる miRNA の網羅解析

○田中 佑治, 津田 聡, 國分 太貴, 佐藤 順子, 安田 正幸, 中澤
徹

(東北大学大学院医学系研究科)

P-59-----

シロイヌナズナの側根帯化変異体の解析から見えてきた植物のミトコンドリアにおけるポリ A 依存的 mRNA 代謝の新しい側面

大塚 蔵嵩¹, 八木 祐介², 中村 崇裕², 野崎 守³, 佐藤 康³, 上田 貴志¹, 平山 隆志⁴, 杉山 宗隆¹

(¹東京大学大学院理学系研究科, ²九州大学農学研究院, ³愛媛大学大学院理工学研究科, ⁴岡山大学資源植物科学研究所)

P-60-----

翻訳アレスト配列を用いた Upf1 による異常 mRNA の認識機構の解析

菅野 朱美, 岸田 菜摘, 稲田 利文

(東北大学大学院薬学研究科生命薬科学専攻遺伝子制御薬学分野)

P-61-----

新規修飾塩基 Cyclic N⁶-threonylcarbamoyladenosine (ct⁶A) の構造決定と生合成機構

宮内 健常, 坂下 卓矢, 木村 聡, 鈴木 勉

(東京大学大学院工学系研究科)

P-62-----

真正細菌ジヒドロウリジン合成酵素の D20 形成は tRNA 上の他の修飾ヌクレオチドによって促進される

楠葉 浩晃¹, 吉田 剛士¹, 岩崎 絵梨¹, 栗井 貴子¹, 平田 章¹, 富川 千恵¹, 山上 龍太¹, 堀 弘幸^{1,2}

(¹愛媛大学大学院理工学研究科, ²愛媛大学ベンチャービジネスラボラトリー)

P-63-----

リボソーム膜による Hammerhead Ribozyme の集積および活性制御

菅 恵嗣, 田中 清志朗, 馬越 大

(大阪大学大学院基礎工学研究科物質創成専攻)

P-64-----

100S リボソーム形成遺伝子 *rmf* の cAMP-CRP による転写制御

吉田 秀司¹, 島田 友裕², 中山 秀喜³, 牧 泰史¹, 古池 晶¹, 上田 雅美⁴, 和田 千恵子⁴, 嶋本 伸雄³, 和田 明⁴, 石浜 明⁵

(¹大阪医科大学医学部物理学教室, ²東京工業大学資源化学研究所, ³京都産業大学総合生命科学部生命システム学科, ⁴(株)吉田生物研究所バイオ情報研究部門, ⁵法政大学工学部生命機能学科)

P-65-----

出芽酵母における EF-1 α ホモログ G タンパク質 Ski7 の機能ドメイン解析

○堀川 航¹, 和田 美紀², 伊藤 耕一¹

(¹ 東京大学大学院新領域創成科学研究科メディカルゲノム専攻, ² 東京大学医科学研究所)

P-66-----

線虫 sbRNA 欠損株の表現型解析

○牛田 千里, 大坂 朋子, 渡邊 幸子, 木原 真哉

(弘前大学農学生命科学部)

P-67-----

低温ストレス応答に関わる mRNA 分解制御の解析

○以西 史織¹, 鈴木 悠也¹, 山口 淳二^{1,2}, 千葉 由佳子^{1,2}

(¹ 北海道大学大学院生命科学院, ² 北海道大学理学院)

P-68-----

タンパク質-RNA 相互作用における RNA2 次構造認識機構: 塩基対確率に基づく解析

○岩切 淳一¹, 亀田 倫史², 浅井 潔^{1,2}, 浜田 道昭¹

(¹ 東京大学大学院新領域創成科学研究科, ² 産業技術総合研究所 生命情報工学研究センター)

P-69-----

リボソーム翻訳基質を 23 種以上に拡大する新手法の開発

○岩根 由彦¹, 人見 梓², 後藤 佑樹¹, 加藤 敬行¹, 村上 裕³, 菅裕明¹

(¹ 東京大学大学院理学系研究科化学専攻, ² 東京大学大学院工学系研究科化学生命工学専攻, ³ 東京大学先端科学技術研究センター)

P-70-----

RNA 結合タンパク質 p54^{nrb} は、SOX2 の発現抑制を介して乳癌幹様細胞を制御する

梁 珊珊¹, 藏満 保宏², 廣瀬 哲郎³, 古橋 昌子¹, 中根 梨恵¹, 中澤 誠多朗¹, 中村 和行², 浜田 淳一¹, ○飯笹 久¹

(¹ 北海道大学遺伝子病制御研究所幹細胞生物学分野, ² 山口大学医学部生化学第一講座, ³ 産業総合研究所機能性 RNA 工学チーム)

P-71-----

植物個体におけるデキャッピングタンパク質の挙動解析

○元村 一基, Le Thi Nhat Quy, 渡邊 雄一郎

(東京大学大学院・総合文化・生命環境)

P-72-----

+AAA proteases と tmRNA の定常期適応における役割

○中山 秀喜, 嶋本 伸雄
(京都産業大学 総合生命科学部)

P-73-----

細胞を基盤とした RNA 編集阻害剤スクリーニング方法の開発

○尾村 美樹, 弟子丸 正伸, 福田 将虎
(福岡大学大学院理学研究科)

P-74-----

拡張型心筋症患者に変異が見出される RBM20 の RS-rich 領域は核移行に必須である

○村山 里枝, 木村 まり子, 黒柳 秀人
(東京医科歯科大学)

P-75-----

配列解析によって得られた低分子 RNA の NMR 構造解析

○奥居 沙弥¹, 鈴木 穰², 加藤 英政³, 牛田 千里⁴, 清澤 秀孔⁵, 河合 剛太¹
(¹千葉工業大学工学部, ²東京大学大学院新領域創成科学研究科, ³埼玉医科大学ゲノム医学研究センター, ⁴弘前大学農学生命科学科, ⁵高知大学医学部)

P-76-----

Yeast tRNA (m²G10) methyltransferase (Trm11-Trm112)の基質認識機構の解明

○大森 志穂¹, 西田 裕¹, 岡田 和樹¹, 平田 章¹, 堀 弘幸^{1,2}
(¹愛媛大学理工学研究科, ²愛媛大学 VBL)

P-77-----

グループ I イントロンをモジュール単位とした一次元 RNA ナノ構造の構築

○上原 成海, 古田 弘幸, 井川 善也
(九州大学大学院工学府)

P-78-----

Xist RNA の 5'領域の配列は RNA を核内に保持させる

○千木 雄太^{1,2}, 佐々木 裕之¹, 佐渡 敬¹
(¹九州大学生体防御医学研究所エピゲノム制御学分野, ²九州大学大学院医科学専攻)

P-79-----

哺乳類ミトコンドリアにおける異常停止したリボソーム複合体の再生機構

○赤羽 しおり, 小谷 哲也, 入江 遼平, 上田 卓也, 竹内 野乃
(東京大学大学院新領域創成科学研究科)

P-80-----

カリウムイオンによって活性がスイッチングする四重鎖リボザイムの創製：四重鎖形成相補鎖によるスイッチング性能の向上

○山置 佑大^{1,2}, 真嶋 司¹, 永田 崇^{1,2}, 片平 正人^{1,2}
(¹京都大学エネルギー理工学研究所, ²京都大学エネルギー科学研究科)

P-81-----

c-di-GMP 応答型リボスイッチの発現プラットフォームの機能解析

○西村 圭一郎, 古田 弘幸, 井川 善也
(九州大学大学院工学府)

P-82-----

超好熱性アーキア *Thermococcus kodakarensis* 2'-5' RNA リガーゼの機能解析

○平田 章¹, 長野 倫子¹, 石丸 雄基¹, 金井 保², 鈴木 健夫³, 佐藤 朝子⁴, 金井 昭夫⁴, 鈴木 勉³, 堀 弘幸^{1,5}
(¹愛媛大学大学院理工学研究科, ²京都大学大学院工学研究科, ³東京大学大学院工学研究科, ⁴慶應義塾大学先端生命科学研究科, ⁵愛媛大学ベンチャービジネスラボラトリー)

P-83-----

翻訳終結因子 Sup35 の切断が酵母プリオンの出現を防御する

○岡本 淳志, 細田 直, 星野 真一
(名古屋市立大学大学院薬学研究科)

P-84-----

植物における snRNA キャップ修飾の生理的意義

廣山 涼子, 出村 拓, ○大谷 美沙都
(理研 環境資源科学研究センター バイオマス工学研究連携部門)

P-85-----

筋ジストロフィーに対するトランスクリプトーム創薬の試み

○飯田 慶^{1,2}, 片岡 直行¹, 西田 篤史³, 川口 修治², 豊田 哲郎², 古野 正朗², 松尾 雅文³, 林崎 良英², 萩原 正敏¹
(¹京都大学大学院医学研究科, ²理化学研究所, ³神戸学院大学)

P-86-----

シンセティック・グループ I リボザイムの構築と多重イントロン切り出し機構の解析と人工制御への応用

○富永 雄人, 古田 弘幸, 井川 善也

(九州大学大学院工学研究院工学府物質創造工学専攻)

P-87-----

Alu 配列の A-to-I RNA 編集における ADAR アイソフォームの異なる作用

田中 泰圭, 川副 美鈴, ○渋谷 圭介, 加藤 卓, 福田 将虎, 弟子丸 正伸

(福岡大学大学院理学研究科化学専攻)

P-88-----

植物の糖代謝に関与する脱アデニル化酵素 AtCCR4 の解析

○鈴木 悠也¹, 平井 優美², Pamela J. Green³, 山口 淳二^{1,4}, 千葉 由佳子^{1,4,5}

(¹ 北大院・生命, ² 理研 CSRS, ³ Delaware Biotech. Inst., Univ. Delaware, ⁴ 北大院・理, ⁵ JST・さきがけ)

P-89-----

p-Stilbazole を用いた末端光架橋型 siRNA の合成

○飯柴 一輝¹, 土居 哲也¹, 高井 順矢¹, 神谷 由紀子^{1,2}, 樫田 啓¹, 浅沼 浩之¹

(¹ 名古屋大学大学院工学研究科, ² 名古屋大学エコトピア科学研究所)

P-90-----

排卵機能を制御するマイクロ RNA の機能解析

○蓮輪 英毅, 上田 潤, 伊川 正人, 岡部 勝

(大阪大学 微生物病研究所)

P-91-----

多環状 RNA による CLIP-RNAi

○村上 真一, 渡邊 和則, 大槻 高史

(岡山大学大学院自然科学研究科)

P-92-----

m⁷G46 および Ψ55 を中心とした *Thermus thermophilus* tRNA 修飾ネットワーク

○富川 千恵¹, 石田 一雄¹, 国林 貴史¹, 金井 保², 横川 隆志³, 堀 弘幸^{1,4}

(¹ 愛媛大学大学院理工学研究科, ² 京都大学大学院工学研究科, ³ 岐阜大学工学部, ⁴ 愛媛大学 ベンチャービジネスラボラトリー)

P-93-----

Evaluating Effectiveness of Accessibility to Infer RNA-RNA Interactions

○加藤 有己¹, 森 智弥², 佐藤 健吾³, 前川 真吾⁴, 細川 浩⁴, 阿久津 達也²

(¹ 奈良先端科学技術大学院大学情報科学研究科, ² 京都大学化学研究所, ³ 慶應義塾大学理工学部, ⁴ 京都大学大学院情報学研究科)

P-94-----

マクロファージにおけるエキソソームの分泌及び再取り込みに関する解析

○奈良場 博昭

(岩手医科大学薬学部細胞病態生物学)

P-95-----

tRNA のスプライシングによって生じる環状 RNA は *M. acetivorans* 細胞内で安定に存在している

○久野 美由紀, 大野 敏, 西川 一八, 横川 隆志

(岐阜大学工学部化学・生命工学科)

P-96-----

***Methanosarcina mazei* 由来 EF-Tu/SelB/aIF2 γ 様翻訳因子 EF-Pyl の結晶構造**

○柳沢 達男^{1,2}, 石井 亮平^{1,3}, 福永 流也^{1,3}, 仙石 徹^{1,2,3}, 横山 茂之^{1,2,3,4}

(¹ 理化学研究所 生命分子システム基盤研究領域, ² 理化学研究所 横山構造生物学研究室, ³ 東京大学大学院理学系研究科生物化学専攻, ⁴ 東京大学大学院理学系研究科構造生物学社会連携講座)

P-97-----

細胞内 snRNP 量を変化させる化合物の探索

○米田 宏, 有賀 寛芳

(北海道大学大学院薬学研究院)

P-98-----

Rtips: fast and accurate tools for RNA 2D structure prediction using IP

加藤 有己¹, ○佐藤 健吾², 浅井 潔³, 阿久津 達也⁴

(¹ 奈良先端科学技術大学院大学情報科学研究科, ² 慶應義塾大学理工学部生命情報学科, ³ 東京大学大学院新領域創成科学研究科, ⁴ 京都大学化学研究所)

P-99-----

発生段階特異的 RNA 結合蛋白質 Drb1 の細胞内局在性の解析

○益子 貴史¹, 坂下 英司², 笠嶋 克巳², 遠藤 仁司²

(¹自治医科大学医学部神経内科学部門, ²自治医科大学医学部生化学講座)

P-100-----

任意配列に結合するカスタム RNA 結合蛋白質の開発

○八木 祐介, 中村 崇裕

(九州大学農学研究院)

P-101-----

Novel step in the reorganization of pre-60S subunit primes it for nuclear export

○松尾 芳隆¹, Sander Granneman², David Tollervey², Ed Hurt¹

(¹ハイデルベルク大学 生化学センター, ²エジンバラ大学 ウェルカム
トラストセンター 細胞生物学講座)

P-102-----

ミトコンドリアにおける翻訳停滞解消因子 ICT1 および C12orf65 の機能解析

○小暮 裕幸, 半田 佳宏, 井上 裕介, 行木 信一

(群馬大学 理工学研究院 分子科学部門)