

第 15 回 日本 RNA 学会年会 口頭発表

7 月 24 日 (水)

8:50- 9:00 開会の挨拶 年会長 堀 弘幸 (愛媛大・院理工)

9:00-10:35 Session 1 【小さな RNA】

座 長 三嶋 雄一郎 (東京大学)、齋藤 都暁 (慶応義塾大学)

9:00- 9:05 Overview 座長

9:05- 9:20 O-01

霊長類 PIWI-piRNA の解析

○平野 孝昌¹, 岩崎 由香¹, Zachary Yu-Ching Lin², 今村 公紀², 芝田 晋介², 關 菜央美³, 佐々木 えりか^{2,4}, 岡野 栄之², 齋藤 都暁¹, 塩見 美喜子^{1,3}, 塩見 春彦¹

(¹ 慶應義塾大学医学部分子生物学教室, ² 慶應義塾大学医学部生理学教室, ³ 東京大学大学院理学系研究科生物化学専攻, ⁴ 実験動物中央研究所)

9:20-9:35 O-02

真核生物の翻訳開始段階における、翻訳促進機構と抑制機構との拮抗関係の解析

○深尾 亜喜良, 藤原 俊伸
(名古屋市立大学大学院薬学研究科)

9:35-9:50 O-03

The mechanistic bases for microRNA-mediated translational repression in plants

○岩川 弘宙¹, 泊 幸秀^{1,2}

(¹ 東京大学分子細胞生物学研究所, ² 東京大学大学院新領域創成科学研究科メディカルゲノム専攻)

9:50-10:05 O-04

miR-124a は神経細胞の成熟と維持に関与する

○佐貫 理佳子^{1,2}, 渡邊 哲史^{1,2,3}, 入江 彰一^{1,2,3}, 古川 貴久^{1,2}

(¹大阪大学蛋白質研究所分子発生学, ²JST, CREST, ³京都大学大学院医学研究科)

10:05-10:20 O-05
非コード性アンチセンス RNA は **competing endogenous RNA** としてインターフェロン- α 1 mRNA の安定性を制御する
蔣 時文¹, 中野 智明², ○木村 富紀^{1,2}
(¹立命館大学薬学部, ²立命館大学大学院生命科学研究科)

10:20-10:35 O-06
DMD 遺伝子のホットスポットのスキップ産物と circRNA
○鈴木 仁^{1,2}, 亀山 俊樹³, 前田 明³, 塚原 俊文²
(¹北陸先端科学技術大学院大学ナノマテリアルテクノロジーセンター, ²北陸先端科学技術大学院大学マテリアルサイエンス研究科, ³藤田保健衛生大学総合医科学研究所)

10:35-10:50 コーヒーブレイク

10:50-12:10 **Session 2 【RNA 成熟 I】**
座 長 吉久 徹 (兵庫県立大学)、竹本 千重 (理化学研究所)

10:50-10:55 Overview 座長

10:55-11:10 O-07
新規 β バレル型 RNA メチル化酵素 TsaA は N^6 -メチルスレオニルカルバモイルアデノシンの N^6 メチル化を担う
○木村 聡, 宮内 健常, 池内 与志穂, 鈴木 勉
(東京大学大学院工学系研究科)

11:10-11:25 O-08
tRNA 修飾酵素が主導するマイコプラズマ遺伝暗号の進化
○別所 義隆¹, Henri Grosjean², 北村 彩¹, 横堀 伸一³
(¹理研・SPRING-8 センター, ²University of Paris-Sud11, ³東京薬大・生命科学)

11:25-11:40 O-9
RtcB RNA リガーゼの C 末端領域を特異的に切断する超好熱性アーキア由来のプロテアーゼ
佐藤 朝子¹, 増田 豪¹, 富田 勝¹, 伊藤 隆², ○金井 昭夫¹
(¹ 慶應義塾大学先端生命科学研究所, ² 理研バイオリソースセンター)

11:40-11:55 O-10
大腸菌 50S リボソームの生合成後期における Um2552 メチル化修飾の機能解析
○荒井 大河, 木村 聡, 坂口 裕理子, 鈴木 健夫, 鈴木 勉
(東京大学大学院工学系研究科)

11:55-12:10 O-11 (P-101)
Novel step in the reorganization of pre-60S subunit primes it for nuclear export
○松尾 芳隆¹, Sander Granneman², David Tollervey², Ed Hurt¹
(¹ ハイデルベルク大学 生化学センター, ² エジンバラ大学 ウェルカムトラストセンター 細胞生物学講座)

12:10-12:25 昼食

12:25-13:25 ランチョンセミナー 男女共同参画
杉 美穂 (東京大学)、司会: 宮川 (倉持) さとみ (大阪大学)

13:25-14:55 ポスターセッション (1) 奇数番号発表 (第 5、第 6 会議室)

14:55-17:25 シンポジウム 1 【Chemistry of RNA I】
座 長 関根 光雄 (東京工業大学)、平尾 一郎 (理化学研究所)

14:55-15:20 S-1
新規 2'-O-修飾 RNA の開発とそのエキソン・スキッピング活性
○関根 光雄¹, 正木 慶昭¹, 山田 剛史¹, 實吉 尚郎¹, 岡庭

夏己¹, 宮坂 隆太¹, 石井 陽大¹, 山本 恵士¹, 大窪 章寛¹,
清尾 康志¹, 青木 吉嗣², 永田 哲也², 武田 伸一²
(¹東工大・院生命理工, ²国立精神・神経医療研究センター 神経
研)

- 15:20-15:45 S-2
RNAの二次構造を調節する低分子
○中谷 和彦, 洪 昌峰, 梅本 詩織, 神山 いづみ, 戸田
真梨子, 小田部 堯広, 津田 哲哉, 松本 咲, 福澄 岳雄,
村田 亜沙子, 堂野 主税
(大阪大学・産業科学研究所)
- 15:45-16:10 S-3
機能性核酸アプタマーを用いた細胞機能解析と制御
○山東 信介
(九州大学 稲盛フロンティア研究センター)
- 16:10-16:35 S-4
人工塩基対による遺伝情報の拡張技術を用いた合成生物学
○平尾 一郎^{1,2}
(¹理化学研究所ライフサイエンス技術基盤研究センター, ²タグシ
クス・バイオ(株))
- 16:35-17:00 S-5
RNAを効率よく観るための化学
○岡本 晃充¹, 王 丹²
(¹東京大学先端科学技術研究センター, ²京都大学・iCeMS)
- 17:00-17:25 S-6
**コムギ無細胞システムを利用した真核リボスイッチの合理
設計**
○小川 敦司
(愛媛大学プロテオサイエンスセンター)
- 17:25-17:40 コーヒーブレイク

17:40-19:45 Session 3 【翻訳 I】

座 長 富田 野乃（東京大学）、今高 寛晃（兵庫県立大学）

17:40-17:45 Overview 座長

17:45-18:00 O-12

終止コドンも開始コドンも必要としない翻訳終結と再開
始： ヒト因子由来再構成型翻訳システムを用いた解析
○町田 幸大¹, 三島 胡桃¹, 舩谷 真美子¹, 今高 寛晃^{1,2}
(¹兵庫県立大学大学院工学研究科, ²理化学研究所 C L S T)

18:00-18:15 O-13

シロイヌナズナホウ素輸送体遺伝子のホウ素栄養条件に応じた発現は **short uORF** を介して制御される
田中 真幸¹, 千葉 由佳子^{2,3}, 三輪 京子⁴, 尾之内 均⁵, 内藤 哲^{3,5}, ○藤原 徹¹
(¹東大院・農, ²北大院・理, ³北大院・生命, ⁴北大・創成, ⁵北大院・農)

18:15-18:30 O-14

Biochemical evidence that microRNA promotes dissociation of eIF4A in *Drosophila*
○深谷 雄志^{1,2}, 泊 幸秀^{1,2}
(¹東京大学 分子細胞生物学研究所, ²東京大学 新領域創成科学研究科 メディカルゲノム専攻)

18:30-18:45 O-15

熱ストレスによる開始 tRNA^{Met}の細胞内動態
○渡邊 和則^{1,2}, 宮川 隆², 富川 千恵³, 水野 利恵², 高橋 昭久⁴, 大槻 高史¹, 堀 弘幸³, 井尻 憲一²
(¹岡山大学自然科学研究科, ²東京大学アイソトープセンター, ³愛媛大学理工学研究科, ⁴群馬大学先端科学研究指導者育成ユニット)

18:45-19:00 O-16

翻訳領域中の RNA 四重鎖による翻訳伸長反応の抑制とタンパク質分解挙動への影響

○遠藤 玉樹, 川崎 悠², 杉本 直己^{1,2}

(¹ 甲南大学先端生命工学研究所, ² 甲南大学フロンティアサイエンス学部)

19:00-19:15 O-17

哺乳動物細胞におけるノンストップ mRNA 分解の分子機構の解析

○細田 直, 齊藤 修平, 星野 真一
(名古屋市立大学大学院薬学研究科)

19:15-19:30 O-18

mRNA エンジニアリングによる外来遺伝子の発現制御

○遠藤 慧¹, 井上 丹², 齊藤 博英^{1,3}

(¹ 京都大学 iPS 細胞研究所, ² 京都大学生命科学研究科, ³ 京都大学白眉センター)

19:30-19:45 O-19

PAIP2A と相互作用する RNA 結合蛋白質による mRNA 3'末端における翻訳制御機構の解析

○柳谷 朗子, Yuri Svitkin, Nahum Sonenberg
(マギル大学生化学講座)

7 月 25 日 (木)

8:50-10:10 Session 4 【RNA 成熟 II】

座 長 金井 昭夫 (慶応義塾大学)、鈴木 健夫 (東京大学)

8:50-8:55 Overview 座長

8:55-9:10 O-20

脊椎動物 Ssu72 は RNA ポリメラーゼ II によって転写される RNA の 3'末端形成を制御する

和仁 翔太郎, 藤原 洋介, 山本 真也, 大熊 芳明, ○広瀬 豊
(富山大学大学院医学薬学研究部 (薬学))

9:10-9:25 O-21

CBP1 mRNA is cleaved in a tRNA splicing endonuclease activity dependent manner

○坪井 達久¹, 鈴木 穰², 吉久 徹³, 稲田 利文¹

(¹東北大学大学院薬学研究科, ²東京大学大学院新領域創成科学研究科, ³兵庫県立大学大学院生命理科学研究科)

9:25-9:40 O-22

スプライシング異常は P-TEFb を阻害することで転写伸長抑制を引き起こす

○古賀 光徳, 甲斐田 大輔

(富山大学先端ライフサイエンス拠点)

9:40-9:55 O-23

STAR ファミリー蛋白質 QKI によるポリ A 鎖伸長を介した遺伝子発現の転写後調節機構

○山岸 良多, 津坂 剛史, 光永 紘子, 前畑 高明, 星野 真一

(名古屋市立大学薬学研究科)

9:55-10:10 O-24

葉緑体の C-to-U RNA 編集活性は RNase によって失活する

○立川 誠¹, 長谷川 綾香², 高林 厚史^{2,3}, 種村 尚典², 溝田香織², 諏佐 瑞穂¹, 野村 明子^{1,4}, 若杉 達也⁴, 小保方 潤一^{1,2}

(¹ 京都府立大学 大学院生命環境科学研究科, ² 名古屋大学 遺伝子実験施設, ³ 北海道大学 低温科学研究所, ⁴ 富山大学 理学部 生物学科)

10:10-10:25 コーヒーブレイク

10:25-11:00 Session 5 【in silico RNA 研究】

座 長 榊原康文 (慶応義塾大学)

10:25-10:30 Overview 榊原康文 (慶応義塾大学)

10:30-10:45 O-25

二次構造予測に基づく長鎖 RNA の立体構造形成領域の推定

中村 慎吾¹, 宇遠 道尊², 河合 剛太^{1,2}

(¹ 千葉工業大学附属総合研究所, ² 千葉工業大学工学部)

10:45-11:00 O-26

蛋白質-RNA の複合体立体構造予測

○亀田 倫史¹, 岩切 淳一², 浜田 道昭², 浅井 潔^{1,2}

(¹ 産総研・CBRC, ² 東大・新領域)

11:00-12:20 RNA 海外若手ワークショップ

司会 泊 幸秀 (東京大学)

11:00-11:05 Overview 泊 幸秀 (東京大学)

11:05-11:30 W-1

Regulation of Dicer functions by partner proteins and a small molecule

○Ryuya Fukunaga, Phillip Zamore

(University of Massachusetts Medical School)

11:30-11:55 W-2

Nuage as a potential processing site of piRNAs in germline cells and stem cells

Emilie Quenerch' du^{1,2}, Robyn S. M. Lim^{1,2}, Amit Anand¹, ○甲斐 歳
恵^{1,2}

(¹ テマセク生命科学研究所, ² シンガポール大学 生命科学研究
科)

11:55-12:20 W-3

**PIWI-TUDOR 相互作用に調節される piRNA 生合成の分子機
構**

本田 尚三¹, 桐野 世里子¹, Manolis Maragkakis², Panagiotis
Alexiou², 大滝 証¹, Ramachandran Murali¹, Zissimos Mourelatos²,
○桐野 陽平¹

(¹ Department of Biomedical Sciences, Cedars-Sinai Medical Center,
² Perelman School of Medicine, University of Pennsylvania)

12:20-13:20 昼食

13:20-14:50 ポスターセッション (2) 偶数番号発表 (第5、第6会議室)

14:50-16:55 シンポジウム 2 【Chemistry of RNA II】

座 長 菅 裕明 (東京大学)、齊藤 博英 (京都大学)

14:50-15:15 S-7

非古典的ペプチド創薬のススメ

○菅 裕明

(東京大学大学院理学研究科)

15:15-15:40 S-8

人為的なコドン再定義から考える遺伝暗号の進化

○坂本 健作^{1,2}, 向井 崇人^{1,2}, 大竹 和正^{1,2}, 染谷 博司³

(¹ 理化学研究所生命分子システム基盤研究領域, ² 理化学研究所
ライフサイエンス技術基盤研究センター, ³ 東海大学情報理工学
部情報科学科)

15:40-16:05 S-9

人工 RNA 分子・システムを活用した細胞機能の制御

○齊藤 博英^{1,2}

(¹Center for iPS Cell Research and Application, ²The Hakubi Center for Advanced Research, Kyoto University)

- 16:05-16:30 S-10
RNA 医薬への有機合成化学的アプローチ
○和田 猛^{1,2,3}, 岩田 倫太郎^{1,3}, 額賀 陽平^{1,3}, 前田 雄介^{1,3}
(¹東京理科大学・薬学部, ²東大・院新領域, ³JST-CREST)
- 16:30-16:55 S-11
アプタマー創薬
○中村 義一
(株式会社リボミック、東京大学名誉教授)
- 16:55-17:10 コーヒーブレイク
-
- 17:10-17:50 青葉賞受賞者講演・表彰式**
座 長 泊 幸秀 (東京大学)
-
- 17:10-17:14 表彰式
- 17:14-17:32 A-1
TNRC6 依存のサイレンシングにおける CCR4-NOT の保存された機能の解析
○牧野 支保¹, 三嶋 雄一郎², 井上 邦夫³, 稲田 利文¹
(¹東北大・院薬、²東大・分生研、³神戸大・院理)
- 17:32-17:50 A-2
人工 piRNA 発現システムを用いた RNA サイレncing 機構の解析
○石津 大嗣¹, 塩見 春彦², 塩見 美喜子¹
(¹東大・院理、²慶應大・医)
- 17:50-18:50 日本 RNA 学会総会
- 19:30-21:30 懇親会 松山全日空ホテル (エメラルド)

7 月 26 日 (金)

9:00-10:20 Session 6 【核内で働く RNA と核内構造体】

座 長 谷 時雄 (熊本大学)、
 廣瀬 哲郎 (産業技術総合研究所)

9:00- 9:05 Overview 座 長

9:05- 9:20 O-27

テロメアにおけるグアニン四重鎖結合タンパク TLS の機能

○大吉 崇文¹, 高濱 謙太郎¹, 黒川 理樹²

(¹ 静岡大学大学院理学研究科, ² 埼玉医科大ゲノム医学研究センター)

9:20-9:35 O-28

RNase感受性スクリーニングにより同定された核内RNA顆粒状構造体の解析

○萬年 太郎¹, 五島 直樹², 廣瀬 哲郎¹

(¹産総研・バイオメディカル, ²産総研・創薬分子プロファイリング)

9:35-9:50 O-29

核内構造体構成タンパク質による RNA 分解機構の解析

○杉山 智康¹, 渡邊 常義², Jianguo Zhu³, 北畑 衣里², Yang Zhou³, 杉岡 (杉山) 梨恵⁴, 谷 時雄², Tamas Fischer³

(¹筑波大学生命領域学際研究センター, ²熊本大学理学部, ³ハイデルベルグ大学, ⁴筑波大学生命環境系)

9:50-10:05 O-30

クロマチン再構築複合体による ncRNA 転写伸長制御を介した核内構造体の構築機構

○川口 哲哉¹, 谷川 明恵¹, 長沼 孝雄¹, 大川 恭行², 廣瀬 哲郎¹

(¹ (独) 産業技術総合研究所バイオメディカル研究部門, ² 九州大学 医学研究院)

- 10:05-10:20 O-31
核内構造体パラスペックルは GA リッチな配列を含むイントロンを繫留している
Jason West¹, 工樂 樹洋², Robert Kingston¹, 廣瀬 哲郎³, ○中川 真一⁴
(¹Massachusetts General Hospital, ²理研 CDB, ³産総研, ⁴理研)
- 10:20-10:35 コーヒーブレイク
- 10:35-10:50 O-32
染色体分離を制御するセントロメア由来 ncRNA の機能解析
○長 裕紀子¹, 井手上 賢¹, 西村 佳菜子¹, 荒木 令江², 谷時雄¹
(¹熊本大学大学院自然科学研究科, ²熊本大学大学院生命科学研究部)
- 10:50-11:05 O-33
転写活性化している L1 プロモーターのエピゲノム解析
○相澤 康則, 石黒 光一
(東京工業大学 生命理工学研究科)
- 11:05-11:20 O-34
DmGTSF1 は Piwi-piRISC による転写レベルのトランスポゾン抑制に必須である
○齋藤 都暁¹, 大谷 仁志¹, 岩崎 由香¹, 渋谷 あおい¹, 塩見春彦¹, 塩見 美喜子²
(¹慶應義塾大学医学部分子生物学教室, ²東京大・院・理学系研究科生物化学専攻)

11:20-12:10 **Session 7 【RNA テクノロジーと合成生物学】**
座 長 井川 善也 (九州大学)、高井 和幸 (愛媛大学)

11:20-11:25 Overview 座 長

- 11:25-11:40 O-35
mature RISC を選択的に可視化する修飾 siRNA の開発
○神谷 由紀子^{1,2}, 伊藤 杏奈², 高井 順矢², 樫田 啓², 浅沼 浩之²

(¹名古屋大学エコトピア研究所, ²名古屋大学大学院工学研究科)

- 11:40-11:55 O-36
細菌のセカンドメッセンジャーを感知するリボスイッチの解析と制御
○古川 和寛^{1,2}, Hongzhou Gu², Narasimhan Sudarsan², 早川 芳宏³, 兵藤 守⁴, Ronald Breaker²
(¹徳島大学薬学部, ²Yale University, Department of Molecular, Cellular, and Developmental Biology, ³愛知工業大学工学部, ⁴北海道大学薬学部)
- 11:55-12:10 O-37
蛋白質応答型 shRNA スwitch の 3D 分子設計
○檜田 俊一¹, 井上 丹², 齊藤 博英^{1,3}
(¹京都大学 iPS 細胞研究所, ²京都大学生命科学研究科, ³京都大学白眉センター)
- 12:10-13:10 昼食
- 13:10-13:25 O-38
変異リボソーム・tRNA ペアを用いた直交性遺伝暗号の創成
○寺坂 尚紘, 林 剛介, 加藤 敬行, 菅 裕明
(東京大学大学院理学系研究科)
- 13:25-13:40 O-39
Q β レプリケースによる持続的 RNA 複製を阻害する、二本鎖 RNA 形成の定量的解析 (人工細胞モデルの構築を目指して)
○臼井 公人¹, 市橋 伯一^{1,2}, 数田 恭章¹, 四方 哲也^{1,2,3}
(¹科学技術振興機構 ERATO 四方プロジェクト, ²大阪大学大学院情報科学研究科, ³大阪大学大学院情報科学研究科)

13:40-15:30 Session 8 【高次生命現象と RNA】
座長 中川 真一 (理化学研究所)、飯笹 久 (北海道大学)

13:40-13:45 Overview 座長

- 13:45-14:00 O-40
家族性自律神経失調症における *IKBKAP* 遺伝子の異常スプライシング機構の解析
○片岡 直行¹, 吉田 真弓², 薄井 知美³, 佐久間 真希², 萩原 正敏²
(¹京都大学医学研究科 メディカルイノベーションセンター 悪性制御研究ラボ, ²京都大学医学研究科 生体構造医学講座 形態形成機構学教室, ³東京医科歯科大学 大学院医学研究科形質発現分野)
- 14:00-14:15 O-41
RNA 結合タンパク質 Sfpq は、神経発生過程において長い pre-mRNA の発現を制御する
○武内 章英¹, 二宮 賢介¹, 飯田 慶¹, 伊藤 美佳子¹, 大野 欽司², 萩原 正敏¹
(¹京都大学大学院医学研究科 生体構造医学講座 形態形成機構学, ²名古屋大学医学系研究科 神経遺伝情報学)
- 14:15-14:30 O-42
MRE32/Lobe-less RNA is essential for mushroom body morphogenesis in *Drosophila*
○稲垣 幸¹, 佐藤 昌直^{3,4}, 中村 奈月², 小林 悟^{3,4}, 影山 裕二^{1,2}
(¹神戸大学自然科学系先端融合研究環・遺伝子実験センター, ²神戸大学理学部, ³基礎生物学的研究所, ⁴岡崎統合バイオサイエンスセンター)
- 14:30-14:45 O-43
NF90-NF45複合体の microRNA 生合成抑制に伴う骨格筋成熟不全
○戸高 寛^{1,2}, 樋口 琢磨^{1,2}, 矢生 健一¹, 山口 史佳¹, 森澤 啓子¹, 福島 敦樹³, 津田 雅之⁴, 杉山 康憲¹, 坂本 修士¹
(¹高知大・総合研究セ・分子生物学, ²日本学術振興会特別研究員 DC1, ³高知大・医・眼科, ⁴高知大・総合研究セ・動物施設)
- 14:45-15:00 O-44
eIF5 類似タンパク質 5MP の個体発生と癌化における役割
○浅野 桂
(カンザス州立大学生物学科)

- 15:00-15:15 O-45
CCR4-NOT 複合体の肥満における機能解析
○高橋 明格¹, 森田 齊弘², 鈴木 亨¹, 山本 雅¹
(¹沖縄科学技術大学院大学細胞シグナルユニット, ²マギル大学)
- 15:15-15:30 O-46
インフルエンザウイルス RNA ゲノムの子孫粒子内取り込み機構の解析
○滝沢 直己, 野本 明男
(微生物化学研究所)
- 15:30-15:45 コーヒーブレイク

15:45-17:35 **Session 9 【翻訳 II】**
座 長 姫野 俵太 (弘前大学)、吉田 秀司 (大阪医科大学)

- 15:45-15:50 Overview 座 長
- 15:50-16:05 O-47
Peptidyl-tRNA hydrolase の基質認識および触媒反応の構造基盤
○伊東 孝祐¹, 村上 僚¹, 望月 正弘¹, 斉 浩², 清水 義宏², 三浦 謹一郎², 上田 卓也², 内海 利男¹
(¹新潟大学理学部生物学科, ²東京大学大学院新領域創成科学研究科メディカルゲノム専攻)
- 16:05-16:20 O-48
翻訳初期段階におけるペプチジル tRNA の脱落と校正機構
○長尾 翌手可, 戸谷 尊文, 唐牛 南, 宮内 健常, 坂口 裕理子, 鈴木 勉
(東京大学大学院工学系研究科)
- 16:20-16:35 O-49
mRNA 分子内切断機構 No-Go Decay に必須な E3 ユビキチンライゲース Hel2 の機能解析
○池内 健, 須藤 大貴, 稲田 利文
(東北大学大学院薬学研究科)

- 16:35-16:50 O-50
変異導入による大腸菌 ArfA タンパク質の解析
○阿保 達彦, 岸本 真幸, 茶谷 悠平, Pajak Aleksandra
(岡山大学大学院自然科学研究科)
- 16:50-17:05 O-51
ミトコンドリアにおける翻訳停滞解消因子 ICT1 および C12orf65 の機能解析
○小暮 裕幸, 半田 佳宏, 井上 裕介, 行木 信一
(群馬大学 理工学研究院 分子科学部門)
- 17:05-17:20 O-52
大腸菌小分子 RNA 遺伝子における転写終結、及び 3'末端が伸長した sRNA の機能解析
○森田 鉄兵¹, 大鷹 弘紀², 石川 博一², 饗場 弘二¹
(¹ 鈴鹿医療科学大学薬学部, ² 名古屋大学大学院理学研究科)
- 17:20-17:35 O-53
古細菌由来 aRF1-aEF1α-GTP 複合体による翻訳終結機構の構造基盤
○小林 幹¹, 斎藤 和紀², 石谷 隆一郎¹, 伊藤 耕一², 濡木 理¹
(¹ 東京大学 大学院理学系研究科 生物化学専攻, ² 東京大学 大学院新領域創成科学研究科 メディカルゲノム専攻)
- 17:35-17:45 閉会の挨拶 年会長 堀 弘幸 (愛媛大・院理工)